

# INTERPRETATION TABLE

## DR low resolution SSP typing

### Amplification patterns of the DRB1\*0101 to DRB1\*1003 alleles

		Well										
		9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
Length of spec.		200	200	210	210	120	80	85	100	210	170	85
PCR product(s)		255				220	210	210	175	230	215	135
											250	180
Length of int.		515	430	430	430	430	430	430	430	430	515	430
pos. control <sup>1</sup>												
5'-primer(s) <sup>2</sup>		14 (129)	14 (129)	13 (126)	13 (126)	13 (125)	13 (125)	13 (125)	13 (125)	14 (127)	16 (133)	26 (165)
		<sup>5'</sup> -gAA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -Agg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -Agg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ACA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ATA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -TAT <sup>3'</sup>
				13 (126)	13 (126)	47 (227)	16 (133)		13 (125)	14 (127)	16 (133)	58 (261)
				<sup>5'</sup> -AAg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -AAg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTT <sup>3'</sup>		<sup>5'</sup> -ACC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ATA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAg <sup>3'</sup>
									13 (125)	16 (133)		
									<sup>5'</sup> -ATA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTT <sup>3'</sup>		
									13 (125)			
									<sup>5'</sup> -gTC <sup>3'</sup>			
3'-primer(s) <sup>3</sup>		67 (286)	67 (286)	67 (286)	67 (286)	73 (305)	26 (164)	28 (171)	33 (184)	71 (298)	58 (260)	57 (257)
		<sup>5'</sup> -gAg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAA <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ggC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ggT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CTC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gTg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CTC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CCT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CgA <sup>3'</sup>
		67 (286)		70 (295)	67 (286)	73 (305)	71 (299)	70 (295)	58 (260)	73 (305)	74 (307)	73 (305)
		<sup>5'</sup> -gAg <sup>3'</sup>		<sup>5'</sup> -CTg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gAg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ggC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gCT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CTg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -Cgg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ggC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CAg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -ggC <sup>3'</sup>
		67 (286)		71 (298)	72 (303)	74 (308)				77 (317)	86 (344)	78 (319)
		<sup>5'</sup> -gAT <sup>3'</sup>		<sup>5'</sup> -CgC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -gCg <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CCC <sup>3'</sup>				<sup>5'</sup> -AAT <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CAC <sup>3'</sup>	<sup>5'</sup> -CAC <sup>3'</sup>
		71 (299)		71 (299)						78 (319)		
		<sup>5'</sup> -gCg <sup>3'</sup>		<sup>5'</sup> -gCT <sup>3'</sup>						<sup>5'</sup> -CAC <sup>3'</sup>		
		86 (344)		73 (305)								
		<sup>5'</sup> -CCA <sup>3'</sup>		<sup>5'</sup> -ggC <sup>3'</sup>								
Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
DRB1 allele <sup>4</sup>	ser <sup>5</sup>											
*010101-010205, 0104-0131	1	9										
*0103	103		10									
*03010101-030108, 0304-0306, 0309, 031101-0316, 0318-0320, 0322, 0323, 0325, 0326, 0328, 0330, 0331, 0333, 0334, 0336, 0337, 0343-0345, 0347, 0348, 0350-0352	3, 17					13	14					
*030201-0303, 0327, 0329, 0338	3, 18					13		15				
*0307, 0317, 0321, 0324, 0332, 0335, 0339-0341, 0349	3					13						
Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19

Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
DRB1 allele <sup>4</sup>	ser <sup>5</sup>											
*0308	3					13	14					19
*0310	3					13	14					
*0342	-					13						
*0346	-					13	14					
*040101-0461, 0463-0468, 0470-047202, 0474-0489	4								16			
*0462, 0469, 0473	4								16			
*07010101-070103, 0703- 0717	7, null									17		
*080101-080203, 080401- 0807, 0811, 0816, 0817, 0822, 0824, 0826, 0828, 0839	8										18	
*080302, 0810, 0812- 0815, 0818, 0819, 0823, 0825, 0827, 0829-083002, 0833, 0834, 0836-0838	8										18	
*0808	8										18	
*0809, 0821, 1415	8										18	
*0820, 1318, 1347, 1355	-, 13											
*0831, 1167	8, 11										18	
*0832	-										18	
*0835	-										18	
*090102-090105, 090201, 090202, 0904-0909	9											19
*090106, 0903	9											19
*100101-1003	10											
*110101-110111, 110401- 110405, 110601, 110602, 1109-111002, 111201, 111202, 1115, 1124, 112701-1130, 1132, 1133, 1135, 1137-1139, 1143, 1144, 1146, 1147, 1149- 1151, 115401, 115402, 1156, 115801, 115802, 1160-1162, 1166, 1172, 1174, 1175, 1177, 1178, 1181, 1184, 1188	11											
Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19

Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
DRB1 allele <sup>4</sup>	ser <sup>5</sup>											
*110201-1103, 111101, 111102, 111401, 111402, 1116, 1120, 1121, 1136, 1140, 1141, 1148, 1159, 1163, 116501, 116502, 1168, 1170, 1176, 1180, 1183, 1185-1187	11, 13						14					
*1105	11											
*1107, 1153	11					13						19
*110801, 110802, 1118-111902, 1142, 1157	11											
*111301, 111302	11							w				
*1117, 1152	11, 14											
*1122	-											
*1123, 1125	11											
*1126, 1134	11							15				
*1131, 1145, 1164	11											
*1155	11											
*1169, 1182	-											
*1173, 1179	-						14					
*1189	-											
*120101-120103, 120302, 1205-1212, 1214, 1217	12											
*120201-120204, 1213, 1215, 1218-1220	12											
*1204	12										18	
*1216	-										18	
*130101-130201, 130203, 1304, 1308, 1316, 1320, 1322-1324, 1327-1329, 1331, 1332, 1334-1336, 1338-1341, 1348, 1351, 1352, 1354, 1359, 1361, 1363-1365, 1368-1376, 1378-1380, 1383, 1384, 1387, 1391-1393, 1396, 1397	13						14					
*130202, 130301-130304, 1310, 133301-133303, 1337, 1366, 1381, 1388-1390, 1394, 1395	13						14					
Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19

Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
DRB1 allele <sup>4</sup>	ser <sup>5</sup>											
*130501, 130502, 130701, 130702, 131101, 131102, 131401-131403, 132101, 132102, 1342, 1346, 1349-135002, 1362	6, 11, 13											
*1306, 1312, 1325, 1330, 1356, 1358, 1360, 1377, 1382	6, 13											
*1309	13											
*1313, 1484	13, -											
*1315, 1319, 1353, 1357	13						14	15				
*1317	13						14			17		
*1326	14							15				
*1343	13						14					
*1344, 1386	-							15				
*1345	13						14					
*1367	13											
*1385	-						14	15				
*140101, 140102, 1404, 140701, 140702, 1410, 1426, 1428, 1431, 1435, 1438, 1439, 1454, 1455, 1457, 1460-1462, 1470, 1471, 1475, 1476, 1479, 1486-1488, 1490	4/6, 14, 1404											
*140103, 1408, 142302, 1434, 1472, 1492N	14, null											
*1402, 140601, 140602, 1409, 1413, 1417, 1420, 1429, 1430, 1433, 1441, 1447, 1448, 1451, 1480, 1483, 1494	6, 14							15				
*140301, 140302, 1412, 1440, 1463, 1467, 1477, 1478, 1485	6, 14, 1403							15				
*140501-140503, 1414, 142301, 142303, 1436, 1443-1445, 1456, 1459, 1464, 1491, 1496	14											
*1411	14										18	
*1416	6						14					
*1418, 1481	14							15				
*1419, 1421	14						14	15				
*1422	14											
*1424	14							15				
*1425, 1453	6, 13/14											
Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19

Well No.	DR	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19
DRB1 allele <sup>4</sup>	ser <sup>5</sup>											
*1427	14							15				
*143201, 143202	14							w				
*1437	14											
*1442	-											
*1446, 1452	14											
*1449	14							15				
*1450	14									17		
*1458	14											
*1465	6							w				
*1468, 1493	14										18	
*1469	-											
*1473	-											
*1474	-											
*1482	-						14					
*1489	-							15				
*1495	-						14					
*15010101-1520, 1522-1524, 1526, 1528-1533, 1535-1543	2, 15, null			11								
*1521	2			11								
*1525	-			11		13						
*1527, 1534	-			11								
*160101-1603, 160501, 160502, 1607-1615	16				12							
*1604	16				12							
DRB3*01010201-0114, DRB3*0201-0225, DRB3*030101-0303	52											
DRB4*01010101-01030101, 010302-0108	53, null											
DRB4*01030102N	null											
DRB5*010101-0114, DRB5*0202-0205	51, null											
Well No.	ser <sup>5</sup>	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19

INTERPRETATION TABLE													
DR low resolution SSP typing													
Amplification patterns of the DRB1*0101 to DRB1*1003 alleles													
Well												32	
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31		
205	100	85	210	195	175	100	110	110	100	215	175	Negative control	
	170	105		210		140	135	175	165				
						155	170	225	240				
430	430	430	430	430	430	430	430	430	430	430	430		
31 (178)	13 (125)	16 (133)	10 (116)	10 (116)	13 (125)	1 <sup>st</sup> I (164)	26 (164)	13 (125)	10 (116)	28 (170)	13 (125)		
5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-gAT <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>		
	16 (133)		13 (125)	13 (125)		37 (197)	34 (189)	34 (189)	10 (116)				
	5'-gTC <sup>3'</sup>		5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>		5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>				
	38 (200)			16 (133)		37 (197)			57 (258)				
	5'-CgT <sup>3'</sup>			5'-gTT <sup>3'</sup>		5'-gTA <sup>3'</sup>			5'-gTC <sup>3'</sup>				
				16 (133)									
				5'-gTC <sup>3'</sup>									
86 (344)	58 (260)	30 (175)	70 (295)	67 (286)	58 (260)	42 (213)	57 (257)	57 (257)	51 (239)	87 (346)	57 (258)		
5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-gTC <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-Cgg <sup>3'</sup>	5'-TCA <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-CTC <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>		
86 (344)	58 (260)	38 (199)	71 (299)	71 (298)	58 (260)	57 (257)	70 (295)	60 (265)	77 (317)	87 (346)	58 (260)		
5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-CgC <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CAg <sup>3'</sup>	5'-CTg <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-AAT <sup>3'</sup>	5'-CTT <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>		
	58 (260)			71 (298)		71 (298)	70 (296)	70 (296)					
	5'-CCT <sup>3'</sup>			5'-CTC <sup>3'</sup>		5'-CgC <sup>3'</sup>	5'-TCC <sup>3'</sup>	5'-TCC <sup>3'</sup>					
								74 (307)					
								5'-CAg <sup>3'</sup>					
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR ser <sup>5</sup>
													1
													103
					25								3, 17
					25								3, 18
					25								3
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR

20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR
													ser <sup>5</sup>
	21												3
							27	28					3
													-
													-
													4
						26							4
													7, null
				24									8
													8
				24		26							8
				24				28					8
			23	24	25			28					-, 13
	21			24									8, 11
		22						28					-
								28					-
							27						9
													9
20													10
	21		23	24									11
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR

Negative control

20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR
													ser <sup>5</sup>
	21		23	24									11, 13
	21			24									11
	21												11
	21		23										11
	21						27	28					11
	21						27	28					11, 14
	21												-
	21		23	24				28					11
	21												11
	21		23					28					11
	21			24				28					11
	21			24		26							-
	21		23										-
	21							28					-
		22											12
		22		24									12
		22											12
		22		24									-
			23	24	25								13
			23		25								13
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR

Negative control



20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR
													ser <sup>5</sup>
			23	24	25								6, 11, 13
			23		25								6, 13
				24	25								13
			23		25			28					13, -
			23	24	25								13
				24									13
			23	24	25								14
			23	24			27	28					13
					25								-
			23	24		26		28					13
			23	24									13
			23		25								-
						26	27	28					4/6, 14, 1404
							27	28					14, null
					25		27						6, 14
			23		25			28					6, 14, 1403
					25		27	28					14
							27	28					14
			23	24		26	27	28					6
					25		27	28					14
			23		25		w						14
			23	24		26	27	28					14
				24	25								14
			23	24		26		28					6, 13/14
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR

20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	DR
													ser <sup>5</sup>
			23	24	25			28					14
						26	27	28					14
				24	25	26							14
					25			28					-
							27						14
						26	27	28					14
						26	27	28					14
						26		28					14
					25		27	28					6
						26	27	28					14
			23			26		28					-
				24		26	27	28					-
			23			26	27	28					-
						26	27	28					-
					25			28					-
					25		27	28					-
													2, 15, null
								w					2
													-
							27						-
													16
								w					16
									29				52
										30			53, null
						26				30			null
											31		51, null
20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	ser <sup>5</sup>

<b>Length of spec. PCR product(s)</b>
<b>Length of int. pos. control<sup>1</sup></b>
<b>5'-primer(s)<sup>2</sup></b>
<b>3'-primer(s)<sup>3</sup></b>
<b>Well No. DRB1 allele<sup>4</sup></b>
<b>*010101-010205, 0104- 0131 *0103</b>
<b>*03010101-030108, 0304- 0306, 0309, 031101-0316, 0318-0320, 0322, 0323, 0325, 0326, 0328, 0330, 0331, 0333, 0334, 0336, 0337, 0343-0345, 0347, 0348, 0350-0352</b>
<b>*030201-0303, 0327, 0329, 0338</b>
<b>*0307, 0317, 0321, 0324, 0332, 0335, 0339-0341, 0349</b>
<b>Well No.</b>

Well No.
DRB1 allele <sup>4</sup>
*0308
*0310
*0342
*0346
*040101-0461, 0463-0468, 0470-047202, 0474-0489
*0462, 0469, 0473
*07010101-070103, 0703- 0717
*080101-080203, 080401- 0807, 0811, 0816, 0817, 0822, 0824, 0826, 0828, 0839
*080302, 0810, 0812- 0815, 0818, 0819, 0823, 0825, 0827, 0829-083002, 0833, 0834, 0836-0838
*0808
*0809, 0821, 1415
*0820, 1318, 1347, 1355
*0831, 1167
*0832
*0835
*090102-090105, 090201, 090202, 0904-0909
*090106, 0903
*100101-1003
*110101-110111, 110401- 110405, 110601, 110602, 1109-111002, 111201, 111202, 1115, 1124, 112701-1130, 1132, 1133, 1135, 1137-1139, 1143, 1144, 1146, 1147, 1149- 1151, 115401, 115402, 1156, 115801, 115802, 1160-1162, 1166, 1172, 1174, 1175, 1177, 1178, 1181, 1184, 1188
Well No.

Well No.
DRB1 allele <sup>4</sup>
*110201-1103, 111101, 111102, 111401, 111402, 1116, 1120, 1121, 1136, 1140, 1141, 1148, 1159, 1163, 116501, 116502, 1168, 1170, 1176, 1180, 1183, 1185-1187
*1105
*1107, 1153
*110801, 110802, 1118- 111902, 1142, 1157
*111301, 111302
*1117, 1152
*1122
*1123, 1125
*1126, 1134
*1131, 1145, 1164
*1155
*1169, 1182
*1173, 1179
*1189
*120101-120103, 120302, 1205-1212, 1214, 1217
*120201-120204, 1213, 1215, 1218-1220
*1204
*1216
*130101-130201, 130203, 1304, 1308, 1316, 1320, 1322-1324, 1327-1329, 1331, 1332, 1334-1336, 1338-1341, 1348, 1351, 1352, 1354, 1359, 1361, 1363-1365, 1368-1376, 1378-1380, 1383, 1384, 1387, 1391-1393, 1396, 1397
*130202, 130301-130304, 1310, 133301-133303, 1337, 1366, 1381, 1388- 1390, 1394, 1395
Well No.

Well No.
DRB1 allele <sup>4</sup>
*130501, 130502, 130701, 130702, 131101, 131102, 131401-131403, 132101, 132102, 1342, 1346, 1349- 135002, 1362
*1306, 1312, 1325, 1330, 1356, 1358, 1360, 1377, 1382
*1309
*1313, 1484
*1315, 1319, 1353, 1357
*1317
*1326
*1343
*1344, 1386
*1345
*1367
*1385
*140101, 140102, 1404, 140701, 140702, 1410, 1426, 1428, 1431, 1435, 1438, 1439, 1454, 1455, 1457, 1460-1462, 1470, 1471, 1475, 1476, 1479, 1486-1488, 1490
*140103, 1408, 142302, 1434, 1472, 1492N
*1402, 140601, 140602, 1409, 1413, 1417, 1420, 1429, 1430, 1433, 1441, 1447, 1448, 1451, 1480, 1483, 1494
*140301, 140302, 1412, 1440, 1463, 1467, 1477, 1478, 1485
*140501-140503, 1414, 142301, 142303, 1436, 1443-1445, 1456, 1459, 1464, 1491, 1496
*1411
*1416
*1418, 1481
*1419, 1421
*1422
*1424
*1425, 1453
Well No.

<b>Well No.</b>
<b>DRB1 allele<sup>4</sup></b>
*1427
*143201, 143202
*1437
*1442
*1446, 1452
*1449
*1450
*1458
*1465
*1468, 1493
*1469
*1473
*1474
*1482
*1489
*1495
*15010101-1520, 1522-1524, 1526, 1528-1533, 1535-1543
*1521
*1525
*1527, 1534
*160101-1603, 160501, 160502, 1607-1615
*1604
DRB3*01010201-0114, DRB3*0201-0225, DRB3*030101-0303
DRB4*01010101-01030101, 010302-0108
DRB4*01030102N
DRB5*010101-0114, DRB5*0202-0205
<b>Well No.</b>